



## La composición de la microbiota, el sexo oral receptivo pueden ser factores de riesgo para la candidiasis

Ben Schwartz

Noviembre 27, 2019

La candidiasis vulvovaginal (VVC) es relativamente común, y la investigación publicada de las enfermedades de transmisión sexual indica que el riesgo de una mujer de que podría aumentar por ciertos comportamientos personales, así como la composición de su microbiota vaginal. *Candida albicans* es la etiología más común para VCC y este estudio analizó qué factores están asociados con su detección molecular. El objetivo del estudio fue comprender mejor los factores epidemiológicos asociados con la detección molecular de *Candida albicans* y evaluar cómo la microbiota vaginal y la abundancia relativa de taxa \* (especies) bacterianas individuales difieren entre las mujeres con y sin *C. albicans* detectadas utilizando métodos moleculares.

(\*TAXA: un grupo taxonómico de cualquier rango, como una especie, familia o clase. Si estos taxones deben considerarse especies es un problema que nunca se resolverá)

### Métodos

Para el estudio transversal, se recogieron los hisopos vaginales de 394 mujeres no embarazadas en edad reproductiva. Los participantes presentaron dos hisopos; uno se usó para caracterizar la composición y estructura de la microbiota vaginal y el otro se usó para preparar un frotis para la puntuación para la coloración Gram de Nugent

Los autores pudieron detectar *C. albicans* utilizando la reacción en cadena de la polimerasa dirigida a la región ITS1 / 2 de *C. albicans*. La microbiota vaginal se caracterizó usando la secuenciación de amplificación del gen 16S rRNA de las regiones hipervariables V3 a V4 y luego se agruparon en tipos de estado de comunidad (CST).

Se identificaron cinco CST primarios en este estudio; cuatro dominados por especies de *Lactobacillus* (*L. iners*, *L. crispatus*, *L. gasseri*, *L. jensenii*), más uno que carece de un número significativo de *Lactobacilli* and caracterizado por mayores proporciones de bacterias anaerobias estrictas y facultativas (denominadas CST IV). Los autores utilizaron la **regresión logística multinomial** para identificar factores de riesgo asociados con la detección de *C. albicans*.

## Hallazgos

Los autores detectaron *C. albicans* en el 21% de las muestras vaginales (83 de 394). Las mujeres en las que se detectó *C. albicans* tenían más probabilidades de informar el uso de tampones, participar en sexo oral receptivo y el uso de antifúngicos de venta libre (OTC) para autotratarse de infecciones vaginales antes de ver a un médico para un examen.

Ni el diagnóstico autoinformado de VVC ni la vaginosis bacteriana en los 60 días previos se asociaron con la detección de *C. albicans*. Además, la detección no se asoció con el pH vaginal, ni a cualquier tipo de síntoma vaginal en los últimos 60 días, edad, antecedentes de embarazo, uso de anticoncepción hormonal en los últimos 60 días, número de parejas sexuales recientes u otras formas de actividad sexual en los últimos 60 días

En el modelo multivariado, las mujeres con una TSC dominada por *L. crispatus* habían aumentado, pero no estadísticamente significativamente las probabilidades de detección de *C. albicans* en comparación con una baja TSC IV de *Lactobacillus* después del ajuste cofactor del sexo oral receptivo y una historia de autotratamiento con antifúngicos de venta libre (odds ratio ajustado, 2.05%; IC 95% 0.97-4.37, n = 323). Sin embargo, utilizando el mismo modelo, el uso de antimicóticos y el sexo oral receptivo se asociaron significativamente con la detección de *C. albicans*, con una tendencia dosis-respuesta al aumento de la frecuencia del sexo oral y las probabilidades de detección de *C. albicans*.

Al evaluar las bacterias individuales para determinar si había especies que tenían más probabilidades de estar asociados con la detección de *C. albicans*, los autores identificaron *L. crispatus*, *Lactobacillus coleohominis*, *Prevotella oris* y *Prevotella veroralis* en mayor abundancia relativa en mujeres en las que se detectó *C. albicans*. En mujeres sin *C. albicans*, los más abundantes fueron *Mobiluncus*, *Moryella* y *Fusobacterium*

## Conclusiones

Los autores creen que sus hallazgos indican que la microbiota vaginal dominada por *L. crispatus* puede estar asociada con una mayor detección de *C. albicans*. También apuntan al sexo oral receptivo como un factor de riesgo para la colonización de *C. albicans*. Se recomiendan más estudios, y los autores sugieren centrarse en qué papel juegan la microbiota vaginal y la respuesta inmune del huésped en la transición de la colonización asintomática a VCC sintomática.

*Traducción y adaptación: Dra. Patricia Cingolani*

Fuente: <https://www.contemporaryobgyn.net/gynecology/microbiota-composition-receptive-oral-sex-may-be-risk-factors-candidiasis>